

図1.平成21～23年度「私立大学戦略的研究基盤形成支援事業」
成果報告書(先進的な栄養学による坂戸市民の健康づくり)

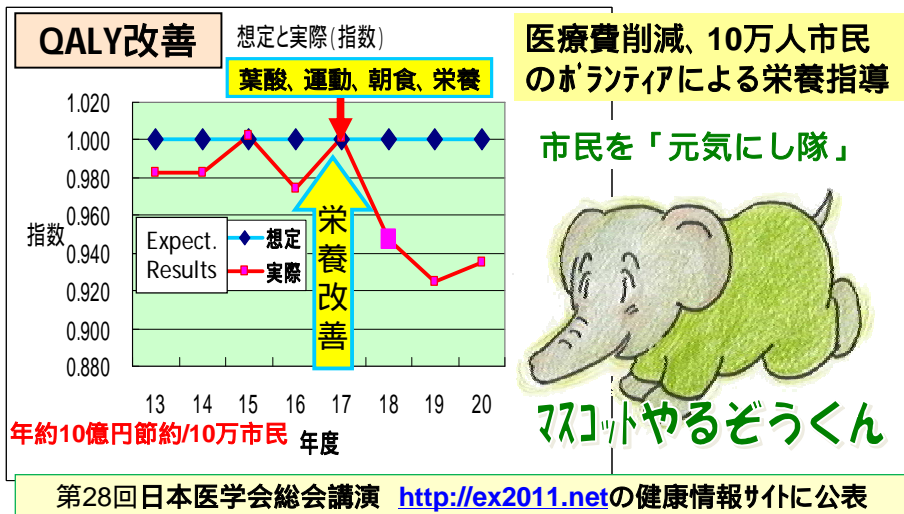
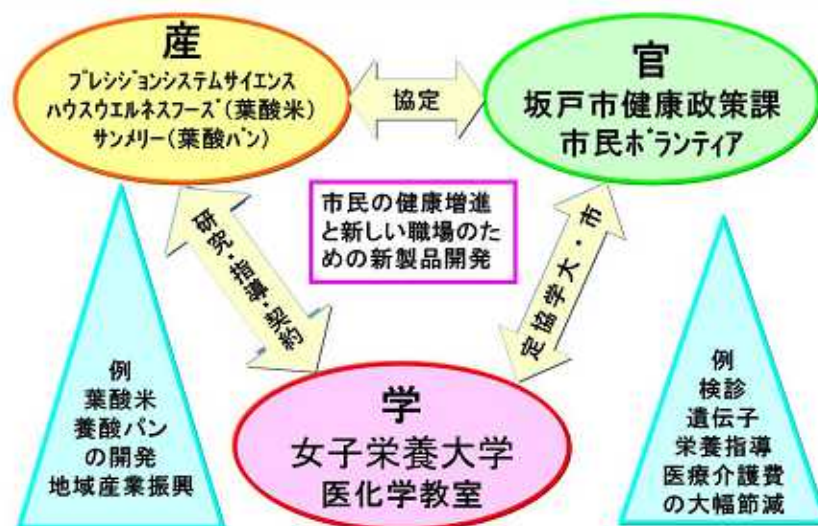


図2.経済産業省産業クラスター計画:産官学ネットワーク形成
坂戸市・企業・女子栄養大学・地域産業資源に認定(第287号 H20.3.6)



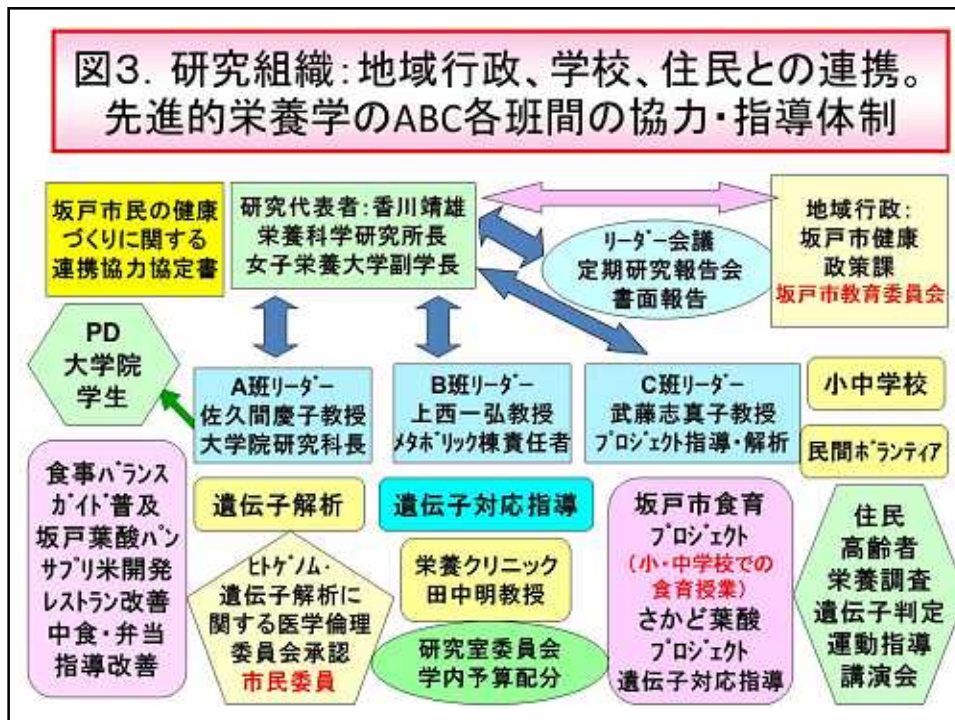


図4. 伝統的栄養学	先進的栄養学
対象：栄養素・食品成分	遺伝子多型・栄養評価
指導：推奨量の画一指導	遺伝子多型対応教育
二次予防：発症後に投薬	一次予防：QALY重視
遺伝子解析の技術的制約	迅速・安価・簡易装置
時間の指定：摂取基準無し	時間栄養学を重視
費用：無効者にも投薬	有効性安全性を予測
精神活動の栄養学の欠如	脳科学の栄養学探求
目的：坂戸市民の先進的な栄養学による指導で、生活習慣病、要介護状態を一次予防し医療介護費を削減する。	

図5. 私大戦略的研究基盤形成計画概要:目的と組織

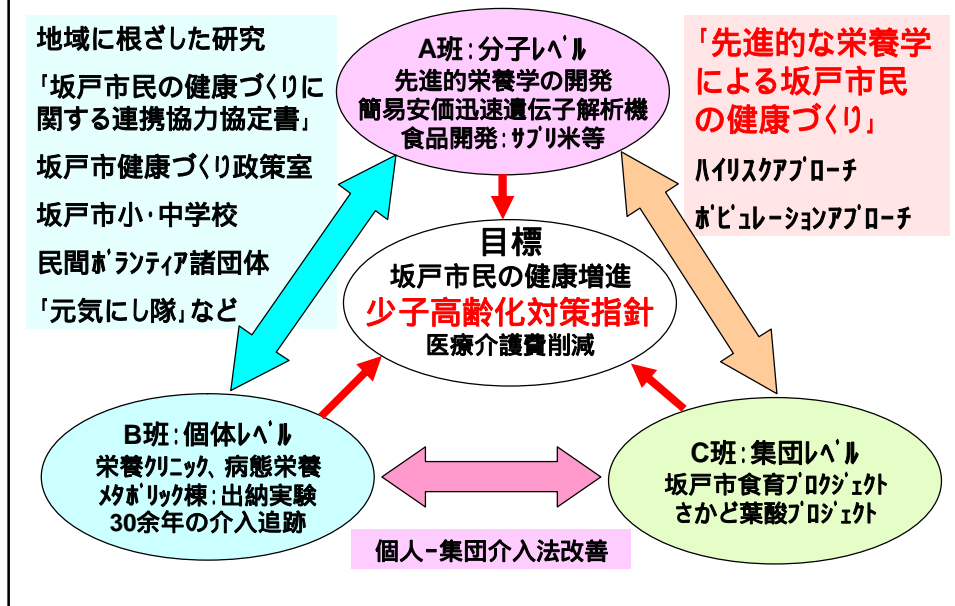
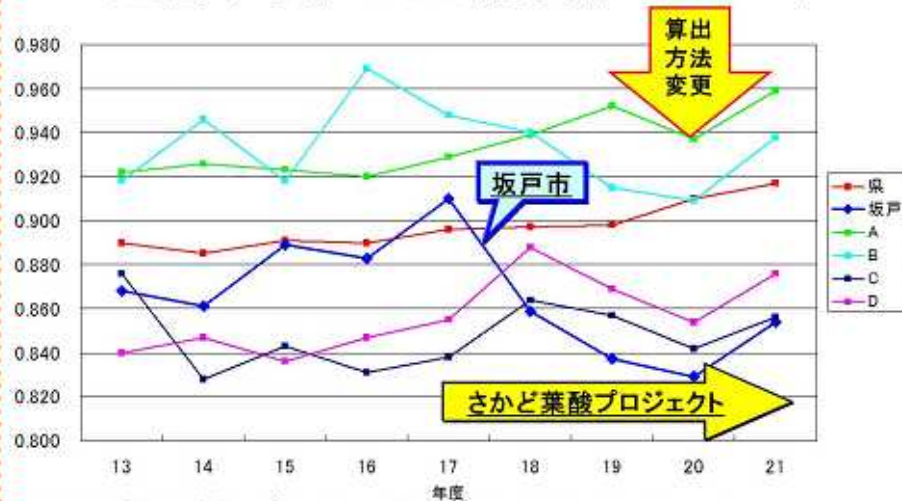


図6. 平成22年6月、健康づくりの坂戸市の成功に対し、内閣府より「食育推進ボランティア表彰」を受けた。

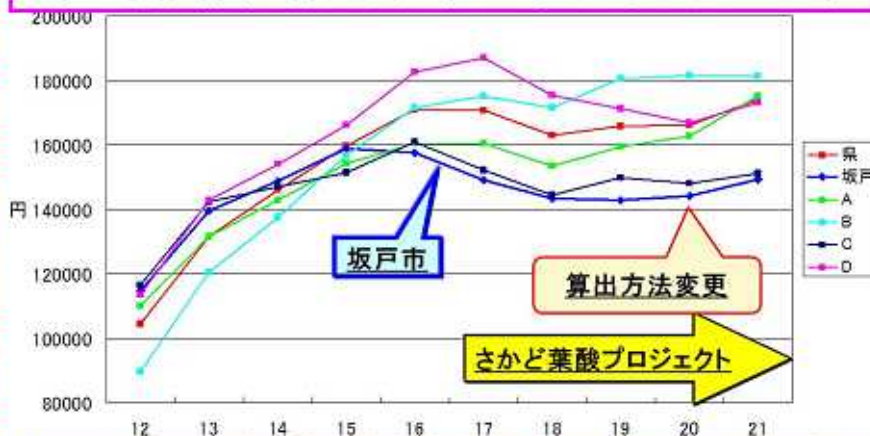


**図7. 医療費地域差指数、近隣市との比較
(全国平均を1とした場合坂戸市は0.86)**



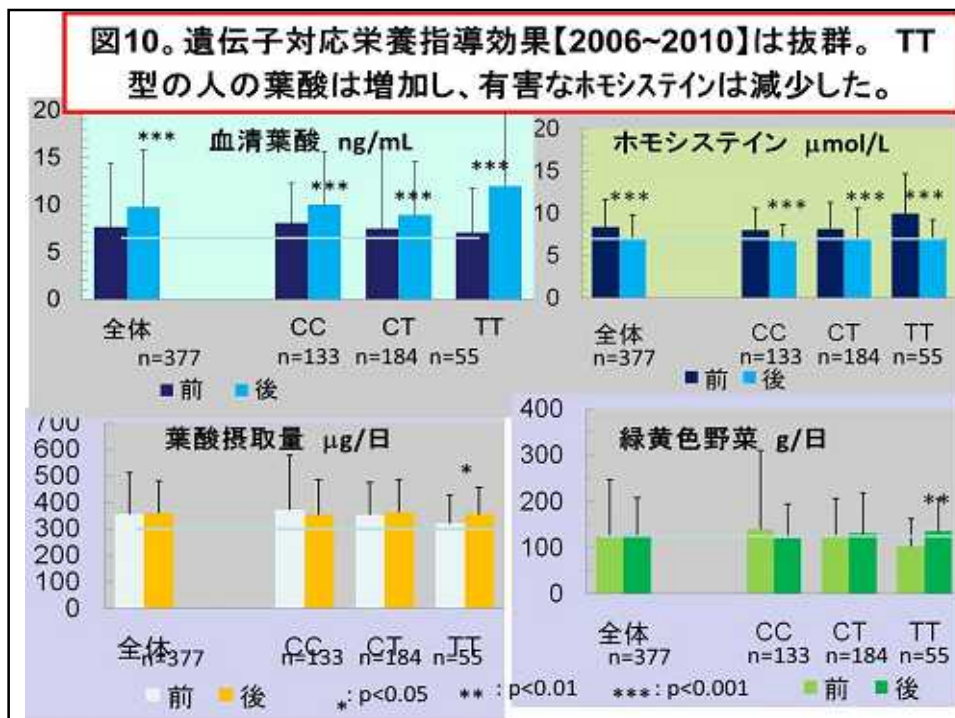
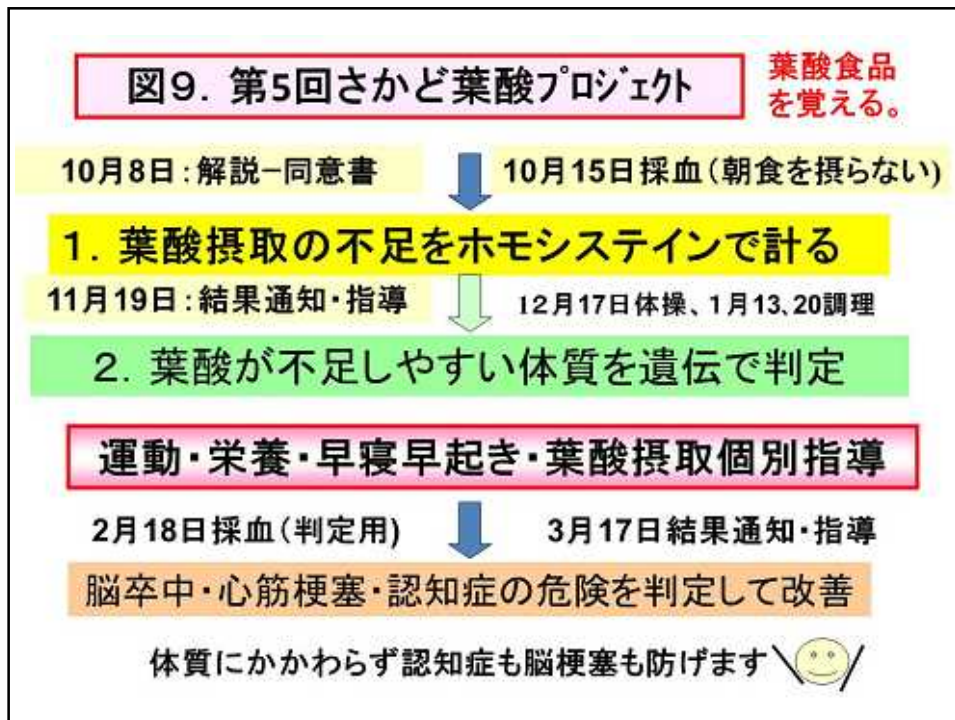
※厚生労働省HP(医療費マップ)<http://www.mhlw.go.jp/topics/bukyoku/hoken/iryomap/>
 ※H20より給付費ベースではなく、医療費ベースで作成されているため、H19以前と単純比較はできない。

**図8. 埼玉県の一人当たりの介護給付費
(第1号被保険者)坂戸市は県平均より2万円安**



年度	12	13	14	15	16	17	18	19	20	21
埼玉県内順位(保険者数)	68(92)	59(90)	50(90)	39(82)	17(81)	8(68)	12(68)	6(68)	7(68)	8(62)

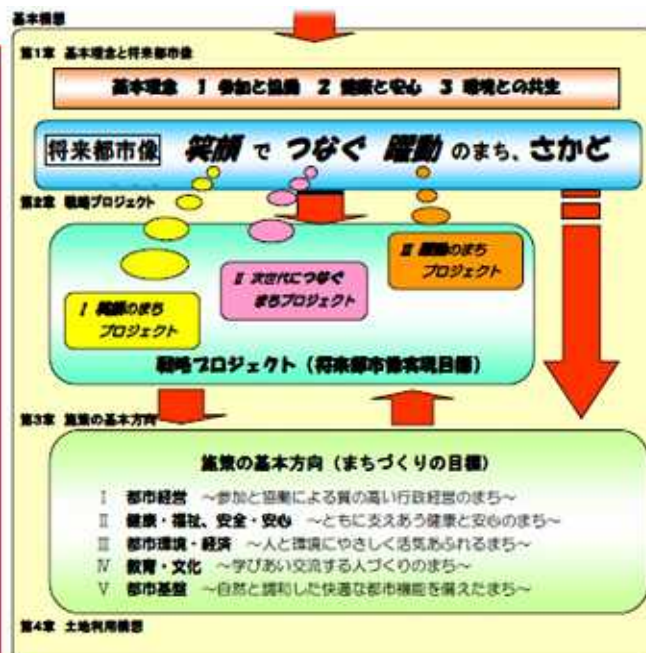
※埼玉県HP(介護保険事業状況報告)<http://www.pref.saitama.lg.jp/site/shiryo/geppo.html>
 ※政府統計HP(介護保険事業状況報告)<http://www.e-stat.go.jp/estat/html/GL02100102.html>



**図11. さかど葉酸プロジェクトの成功は産学官協力の結果
年間投入研究費2,500万円、医療介護費削減10億円
費用対効果比 = 40倍。国家規模の葉酸強化費1円/人/年**

1. ボランティアの有効な組織化: 寺子屋方式の多数の学習機会
官と学: “元気にし隊”の地域健康増進の内閣府表彰(2010年春の表彰).
 2. 迅速・安価な遺伝子多型分析器の発明と実用化とEビジネス化.
学と産: Kagawa et al. J. Biosci. Bioeng. 111, 505-508,2010
 3. 栄養クリニック: 栄養調査と栄養指導に当たる経験ある管理栄養士集団
学: 「葉酸の病態栄養」,日本病態栄養学会誌,12(4), pp.311-335, 2009.
 4. 協力的な地域自治体と伊理市長: 市内3大学と市の協定
官と学: 坂戸市健康政策課と女子栄養大学の指導連携
 5. 葉酸強化食品の開発: さかど葉酸ブレッドや葉酸米の開発 地域販売収益
産と学: ハウスウェルネスフーズ株式会社と葉酸米の無作為化対照試験
- これらの協力体制は他の自治体・大学・企業でも実行可能である。

図12. さかど葉酸プロジェクトの成果は右の第6次坂戸市総合振興計画(平成24-33)の基本構想・前期基本計画のII健康・福祉・安全・安心の一部として活用される予定である。



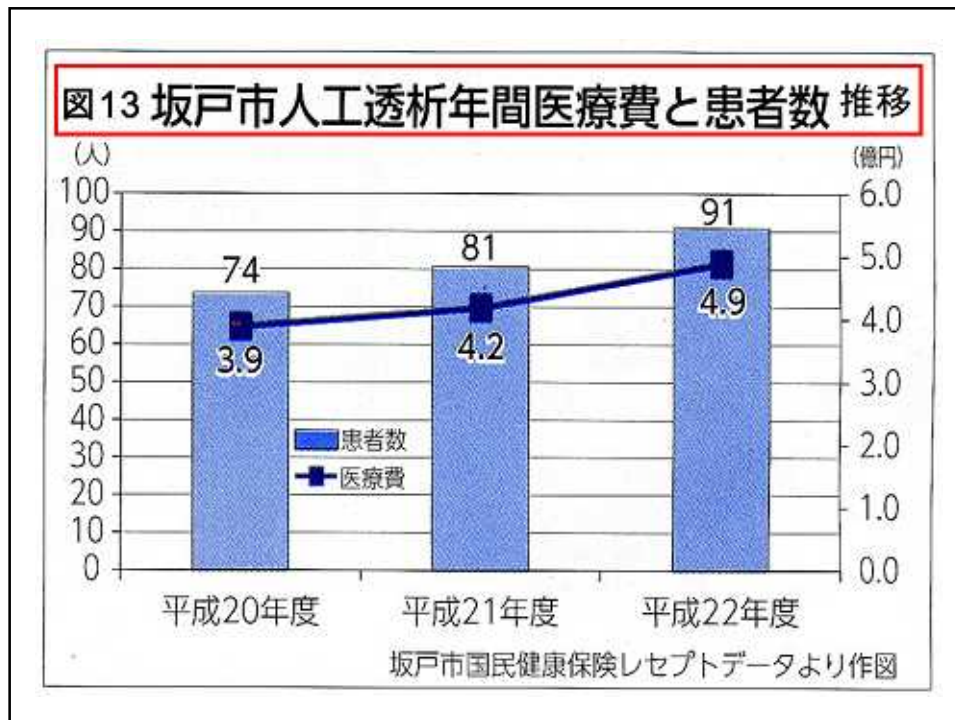


図14. 遺伝子多型迅速簡易分析装置の論文が世界の上位10位

List 1

Top 20 Articles, in the Domain of Article 20547337, Since its Publication (2010)

• What is this list? Read the [explanation](#).

• Note: **orange text** shows articles published within the past 5 months, and **green text** shows articles published within the past 10 months.

1. Relationships between Podolic cattle breeds assessed by single nucleotide polymorphisms (SNPs) genotyping.

Pariset L, Mariotti M, Nardone A, Soyssi M, Cekan E, Williams JL, Dunner S, Leveziel H, Morzi A, Agre A, Ebdel A, Valentin A.

J Anim Breed Genet, 2010 Dec;127(6):481-9

[Abstract](#) | [More from the authors](#) | [Email pariset@univ-st](#) | [Citation export](#)

2. Pathogenic aberrations revealed exclusively by single nucleotide polymorphism (SNP) genotyping data in 5000 samples tested by molecular karyotyping.

Bruno DL, White SM, Ganesamoorthy D, Burgess T, Butler K, Corrie S, Francis D, Hills L, Prabhakara K, Ngo C, Norris F, Oertel R, Partle MD, Stark Z, Amor DJ, Slater HR.

J Med Genet, 2011 Dec;48(12):831-9

[Abstract](#) | [More from the authors](#) | [Email dsim@rznob.mq.edu.au](#) | [Citation export](#)

10. Automated single nucleotide polymorphism typing using bead array in capillary tube.

Kagawa Y, Hiraoka M, Miyashita-Hatano Y, Shishido-Oki M, Yoshida M, Kondou S, Sugiura M, Sawakami-Kobayashi K, Takahashi M, Tajima H, Yohda M.

J Biosci Bioeng, 2010 Oct;110(4):505-8

[Abstract](#) | [More from the authors](#) | [Email kagawa@eiyo.ac.jp](#) | [Citation export](#)